

BLANQUET Véronique

Faculté des Sciences et Techniques,
123 avenue Albert Thomas,
87060 LIMOGES.

Téléphone : 05 55 45 76 64

Fax : 05 55 45 76 53

E-mail : veronique.blanquet@unilim.fr

Généticienne, Professeur des Universités, Classe Exceptionnelle, Section CNU n° 64
Directrice de l'Institut de recherche universitaire GEIST (Génomique, Environnement, Immunité, Santé et Thérapeutiques), Université de Limoges.

Titres universitaires - Distinctions

- Doctorat de Sciences en Génétique Humaine (1990), Université P. et M. Curie, Paris VI
- Habilitation à diriger des Recherches (2003), Université d'Orléans
- Prix de la Chancellerie des universités de Paris « G Roussy » en cancérologie en 1989
- Prix de la Fédération des Aveugles de France en 1991

Fonctions

- 1991-1992 : Assistante Hospitalo-Universitaire, service d'Histologie-Embryologie-Cytogénétique, Pr. Vekemans, Hôpital Necker-Enfant-Malades, Paris.
- 1992-2005 : Chargée de Recherche CNRS, Laboratoires « Génétique, Chromosomes et Cancer » U383 INSERM, Hôpital Necker-Enfants Malades & Institut de Génétique Expérimentale à Munich (Allemagne)
- 2000-2002 : Directeur Scientifique Associé, Ingenium Pharmaceuticals, Munich
- Depuis 2005-présent : Professeur des Universités, Faculté des Sciences et Techniques, Limoges
- 2009-2016 : Directrice de l'école doctorale BioSanté de la communauté d'Universités et d'établissements Limousin-Poitou-Charentes.
- Depuis 2013 : Directrice de l'Institut de Recherche GEIST (<https://www.unilim.fr/recherche/laboratoires/geist/>)
- 2015-2017 : Directrice de l'UMR INRA « Génétique Moléculaire Animale »
- 2018-présent : Directrice de l'USC INRAE « Génomique Animale, Amélioration, Adaptation »
- Membre nommé au CNU, section 64, depuis 2019
- Membre du comité INRAE « Technologies Edition des génomes animaux et végétaux » depuis 2020
- Membre élu à la Commission Recherche, Université de Limoges, depuis 2020

Enseignements

- Enseignante de Génétique en LMD (génétique formelle, moléculaire, médicale, développementale, génétique animale, Epigénétique, Analyse des génomes)
- Depuis 2018 : Responsable du parcours Master « Génomique & Biotechnologies », de la Mention Biologie-Santé de l'Université de Limoges (<https://www.unilim.fr/formation/loffre-de-formation%20/#/formation/LIM-PROG80840>)
- 2007-2018 : Responsable du Master spécialité Recherche "Génétique et Physiologie", cohabilité avec l'Université de Clermont-Ferrand
- De 2010 à 2013 : Directrice du département pédagogique des « Sciences du Vivant », Université de Limoges

Recherche

- Etude des mécanismes moléculaires d'inactivation du gène de susceptibilité au rétinoblastome, tumeur maligne intraoculaire de l'enfant
- Contribution des modèles murins à l'étude du développement et du fonctionnement normal et pathologique du système nerveux et de l'oeil
- Etudes des mécanismes génétiques et épigénétiques contrôlant la formation du muscle, du squelette et l'élaboration de la qualité des viandes. Etude fonctionnelle de réseaux de gènes impliqués dans ces systèmes. Modèles d'études : souris- bovin
- Coordinatrice ou participante à des contrats de recherche nationaux et internationaux dont le projet H2020 BovReg « *Identification of functionally active genomic features relevant to phenotypic diversity and plasticity in cattle* » 2019-2023
- Collaborations/partenariats : University of Aberdeen, Institute of Medical Sciences ENSAT, LabTic (Tanger), UMR1313 Génétique Animale et Biologie Intégrative (Jouy-en-Josas) ; UMR1213 Unité Mixte de Recherche

sur les Herbivores, (Clermont-Ferrand/Theix), UMR0866 DMEM Dynamique Musculaire et Métabolisme (Montpellier) , partenaires du monde socio-économique: pôle de Lanaud, Ingénomix, Institut de l'Elevage, Lycée Agricole des Vaseix, Laboratoire Départemental Vétérinaire, , OS Blonde d'Aquitaine.

- 55 publications internationales à comité de lecture,
- 3 publications nationales,
- 3 chapitres d'ouvrage
- 21 Communications orales à des congrès nationaux ou internationaux
- 71 communications affichées à des congrès nationaux ou internationaux
- conférences invitées : 12

- depuis 2005, Directrice ou codirectrice de 13 thèses de doctorat, encadrements de 4 Post-Docs ; encadrements de 14 masters 2, de >35 masters 1

Expertise – valorisation

- Expert pour l'ANRT (dossiers CIFRE), pour l'Hceres
- Expert de dossiers ANR ; de dossiers IBISA, de dossiers de financements attribués par des fondations (Ligue contre le cancer...)
- Evalueur pour l'INRAE
- Evalueur pour le réseau EMMA (European Mouse Mutant Archive) depuis 2002
- Membre du conseil scientifique du Département de Génétique Animale, INRA
- Evalueur pour « Dahlem Research School » Postdoc Fellowship Program, Université libre de Berlin.
- Reviewer pour des revues scientifiques internationales : BMC Genomics, Exp. Cell Res., Genomics, J Biol Chem, Molecular Endocrinology, Gene, PLoS ONE, Experimental Cell Research, BBREP,...

Sélection de publications

- Parenté A, Boukredine A, Baraige F, Duprat N, Gondran-Tellier V, Magnol L, Blanquet V. (2020). GASP-2 overexpressing mice exhibit a hypermuscular phenotype with contrasting molecular effects compared to GASP-1 transgenics. *FASEB J.* Mar;34(3):4026-4040. doi: 10.1096/fj.201901220R.
- Parenté A, Di Meo F, Lapeyronie E, Al Mansi M, Delourme D, Pélissier P, Brémaud L, Trouillas P, Blanquet V. (2020). GASP-1 and GASP-2, two closely structurally related proteins with a functional duality in antitrypsin inhibition specificity: a mechanistic point of view. *FEBS J.* Mar;287(5):909-924. doi: 10.1111/febs.15072.
- Parenté A, Pèrié L, Magnol L, Bouhouche K, Blanquet V. (2019). A siRNA mediated screen during C2C12 myogenesis. *Methods Mol Biol.* 1889:229-243. doi: 10.1007/978-1-4939-8897-6_13.
- Ouchene-Khelifi N.A., Lafri M., Pompanon F., Ouhrouch A., Ouchene N., Blanquet V., Lenstra J.A., Benjelloun B., Da Silva A. (2018). Genetic homogeneity of North-African goats. *PLoS One* Aug 16;13(8): e0202196. doi: 10.1371/journal.pone. 0202196.
- Salmi A., Jadid S., Jamail I., Bensellak T., Philippe R., Blanquet V., Moussa A. (2018). CNV-LDC: an optimised method for copy number variation discovery in low depth of coverage data *International Journal of Data Mining and Bioinformatics* Vol.21 No.2 DOI: 10.1504/IJDMB.2018.096408
- Pèrié L., Parenté A., Baraige F., Magnol L., Blanquet V. (2017). Alterations in Adiposity and Glucose Homeostasis in Adult Gasp-1 Overexpressing Mice. *Cell Physiol Biochem.* 44(5):1896-1911. doi: 10.1159/000485878.
- Alwan R., Bruel AL., Da Silva A., Blanquet V.*, Bouhouche K.* (2017). An siRNA-based screen in C2C12 myoblasts identifies novel genes involved in myogenic differentiation. *Exp Cell Res.* Oct 1;359(1):145-153.
- Baati N., Feillet-Coudray C., Fouret G., Vernus B., Goustard B., Coudray C., Lecomte J., Blanquet V., Magnol L., Bonniou A., Koechlin-Ramonatxo C. (2017). Myostatin deficiency is associated with lipidomic abnormalities in skeletal muscles. *Biochim Biophys Acta Mol Cell Biol Lipids.* Oct;1862:1044-1055.
- Pèrié L., Parenté A., Brun C, Magnol L., Pélissier P., Blanquet V. (2016). Enhancement of C2C12 myoblast proliferation and differentiation by GASP-2, a myostatin inhibitor. *Biochemistry and Biophysics Reports* 6, 39–46.
- Monestier O., Blanquet V. (2016). WFIKKN1 and WFIKKN2: "Companion" proteins regulating TGFB activity. *Cytokine Growth Factor Rev.* Jun 11. pii: S1359-6101(16)30064-8. doi: 10.1016/j.cytogfr.2016.06.003.

- Al Jaam, B. *, Heu, K. *, Pennarubia, F., Segelle A., Magnol, L., Germot, A., Legardinier, S. *, Blanquet V. *, Maftah, A*. (2016). Reduced Notch signaling leads to postnatal skeletal muscle hypertrophy in Pofut1cax/cax mice. *Open Biology* Sep;6(9). pii: 160211. doi: 10.1098/rsob.160211. (* equal contribution)
- Brun C., Périé L., Baraige F., Vernus B., Bonnieu A., Blanquet V. (2014). Absence of hyperplasia in Gasp-1 overexpressing mice is dependent on myostatin up-regulation. *Cell Physiol Biochem*. 34(4):1241-59. doi: 10.1159/000366335.
- Monestier O., Brun C., Heu K., Passet B., Malhouroux M., Magnol L., Vilotte JL., Blanquet V. (2012). Ubiquitous Gasp1 overexpression in mice leads mainly to a hypermuscular phenotype. *BMC Genomics*. 13(1): 541. doi: 10.1186/1471-2164-13-541.
- Magnol L., Monestier O., Vuillier-Devillers K., Wagner S., Cocquempot O., Chevallier M.C., Blanquet V. (2011). A sensitised mutagenesis screen in the mouse to explore the bovine genome: study of muscle characteristics. *Animal* 5: 663-671. doi: 10.1017/S1751731110002405.
- Plath N, Ohana O, Dammermann B, Errington M, Gross C, Mao X, Engelsberg A, Malhke C, Blanquet V et al., (2006). Arg3.1/Arc is essential for the consolidation of synaptic plasticity and memories. *Neuron*, 52, 437- 44.
- Panhuysen M*, Vogt Weisenhorn D* and Blanquet V* and W. Wurst. (2004) Effect of Wnt1 signaling on proliferation in the developing mid-/hindbrain region. *Mol Cell Neurosci*. (2004) 26, 101-11
- Kimmel RA, Turnbull DH, Blanquet V, Wurst W, Loomis CA, Joyner AL. (2000) Two lineage boundaries coordinate vertebrate apical ectodermal ridge formation. *Genes Dev*. Jun 1; 14(11): 1377-89.
- Timpl P, Spanagel R, Sillaber I, Kresse A, Reul J, Stalla G, Blanquet V, Steckler T, Holsboer F, Wurst W. (1998) Mice lacking a functional corticotropin-releasing hormone receptor 1 show impaired stress response and reduced anxiety under basal and alcohol withdrawal conditions. *Nature Genetics*, 19,162-166.
- Miniou P, Jeanpierre M, Bourchi's D, Coutinho Barbosa AC, Blanquet V, Viegas Pequignot E. (1997) Alpha-satellite DNA methylation in normal individuals and in ICF patients: heterogeneous methylation of constitutive heterochromatin in adult and fetal tissues. *Hum Genet*. (6): 738-45.
- Favor J, Sandulacher, Neuhauser-Klaus A, Pretsch W, Chatterjee B, Senft E, Wurst W, Blanquet V, Grimes P, Sporle R, Schugart K. (1996) The mouse Pax 2^{Neu} mutation is identical to a human PAX2 mutation in a family with renal coloboma syndrome and results in developmental defects of the brain, ear, eye and kidney. *PNAS*, 93, 13870-13875.
- Blanquet V, Turleau C, Gross M.S, Senamaud-Beaufort C, Doz F, Besmond C. (1995) Spectrum of germline mutations in the RB1 gene: a study of 232 patients with hereditary and non hereditary retinoblastoma. *Hum. Mol. Genet*, 4, 383-388.
- Blanquet V, Turleau C, Gross M.S, Goossens M, Besmond C. (1993) Identification of germ line mutations in the RB1 gene using denaturant gradient gel electrophoresis and polymerase chain reaction direct sequencing. *Hum.Mol.Genet.*, vol.2, 7 : 975-979.
- Plougastel B, Couillin P, Blanquet V, Le Guern E, Bakker E, Turleau C, Grouchy J. de, Creau-Goldberg N. (1992) Mapping around the Xq13.1 breakpoints of two X/A translocations in hypohidrotic ectodermal dysplasia (EDA) female patients. *Genomics*, 14: 523-525.
- Blanquet V, Creau-Goldberg N, Grouchy J de, Turleau C. (1991) Molecular detection of constitutional deletions in patients with retinoblastoma. *Am.J. Med. Genet* .39: 355-361.
- Blanquet V, Turleau C, Grouchy J de, Creau-Goldberg N. (1991) Physical map around the retinoblastoma gene: Possible genomic imprinting suggested by Nrul digestion. *Genomics*, 10:350-355.
- Buetow K.H, Murray J.C, Israel J.L, London W.T, Smith M, Kew M, Blanquet V, Brechot C, Redeker A. (1989) Loss of heterozygosity suggests tumor suppressor gene responsible for primary hepatocellular carcinoma. *Proc.Natl.Acad.Sci. USA*, 86, 8852-8857.